

ESPERIENZA LAVORATIVA

COLLABORATORE DI RICERCA - GENOMICA APPLICATA E COMPARATA – UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI TRIESTE –
31/12/2025 – Attuale – TRIESTE, ITALIA

- Analisi dati di sequenziamento trascrittomici e genomici ottenuti con tecnologie NGS: trimming, assemblaggio, analisi post assemblaggio
- Gestione di analisi di genomica comparata e di segnali di selezione su famiglie geniche
- Gestione di linguaggi di programmazione (R, Python) e sviluppo codici per analisi di dati biologici
- Studio di adattamenti molecolari in ambienti estremi

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

04/08/2023 – 15/12/2025 Trieste (TS), Italia
LAUREA MAGISTRALE IN GENOMICA FUNZIONALE Università degli Studi di Trieste

Tesi | Life in the dark: molecular adaptations of the cave shrimp *Troglocaris planinensis*
Voto finale 110

2019 – 14/12/2022 Padova (PD), Italia
LAUREA TRIENNALE IN BIOLOGIA Università degli Studi di Padova

Tesi | Aplotipo ricorrente in pazienti ADPKD con la stessa mutazione germinale nonsense del gene PKD2
Voto finale 103

COMPETENZE LINGUISTICHE

Lingua madre: ITALIANO | CROATO
Altre lingue:

	COMPRENSIONE		ESPRESSIONE ORALE		SCRITTURA
	Ascolto	Lettura	Produzione orale	Interazione orale	
INGLESE	C1	C1	B2	B2	C1
TEDESCO	B1	B1	B1	B1	B1

Livelli: A1 e A2: Livello elementare B1 e B2: Livello intermedio C1 e C2: Livello avanzato

COMPETENZE

Competenze informatiche

Competenze digitali

Padronanza del pacchetto Office (Word Excel Powerpoint Ecc) | Libre Office (Base, Calc, Writer, Impress, Draw, Math) | Teams | Zoom

Competenze di programmazione

LaTeX | Python | Biopython | Java | MATLAB | IDE (VS Code) | Docker | R | Linux (terminale, bash/shell)

Competenze bioinformatiche

Analisi evolutive di sequenze:

- ricerca di omologia tramite BLAST+
- allineamento multiplo di sequenze tramite MEGA v.12
- generazione di alberi filogenetici con metodi NJ-ML
- identificazione di gruppi di sequenze ortologhe tramite OrthoFinder

Gestione di dati di sequenziamento:

- controllo qualità e trimming tramite FastQC, SOAPnuke, fastp

Assemblaggio de novo:

- Trinity (trascrittomi)
- SPAdes (genomi)

Analisi di assemblaggi genomici e trascrittomici:

- analisi di completezza tramite BUSCO e QUAST
- annotazione tramite Trinotate, BRAKER, tRNAscan-SE, ARAGORN
- predizione di sequenze codificanti tramite TransDecoder
- identificazione di repeat tramite RepeatModeler

Utilizzo di piattaforme web e software per analisi di dati omici:

- CLC genomics
- Galaxy
- EMBOSS

● PROGETTI

Premio letterario Galileo per la divulgazione scientifica (2022, 2023, 2024)

Membro della giuria studenti

Premio Trieste Next-Science Book of the Year (2025)

Membro della giuria dei lettori

● CERTIFICAZIONI

MathWorks, 21/12/2022

MATLAB Onramp

Introduzione a Matlab e ai workflow comunemente utilizzati per analizzare dati scientifici

Università degli Studi di Padova, 20/02/2019

Fondamenti di informatica (corso singolo)

Programmazione orientata agli oggetti; approcci elementari alla soluzione di problemi (algoritmi) e al progetto di strutture di dati; sviluppo di semplici applicazioni in linguaggio Java. Settore ING-INF/05 - SISTEMI DI ELABORAZIONE DELLE INFORMAZIONI. Unità didattica: FONDAMENTI DI INFORMATICA - [IN18103361]

● CONFERENZE E SEMINARI

11/02/2026 – 13/02/2026

XXVI Meeting SIICS - San Benedetto del Tronto

Progetto presentato: Molecular adaptations of the cave shrimp *Troglocaris planinensis*

● ONORIFICENZE E RICONOSCIMENTI

12/02/2026

XXVI Meeting SIICS - Travel support della SIICS 2026 – Società Italiana di Immunobiologia Comparata e dello Sviluppo (SIICS)

Travel grant per la presentazione del progetto: Molecular adaptations of the cave shrimp *Troglocaris planinensis*

● PUBBLICAZIONI

Under review

Autori: Radonic, S., Manfrin, C., Kireta, D., Pallavicini, A., Gerdol, M.

The complete mitochondrial genome of *Troglocaris planinensis* Birštejn, 1948 (Decapoda, Caridea, Atyidae) reveals the presence of a unique structural rearrangement

Under review

Autori: Radonic, S., Manfrin, C., Kireta, D., Pallavicini, A., Gerdol, M.

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali presenti nel CV ai sensi dell’art. 13 d. lgs. 30 giugno 2003 n. 196 - "Codice in materia di protezione dei dati personali" e dell’art. 13 GDPR 679/16 - "Regolamento europeo sulla protezione dei dati personali".

Trieste , 03/07/2026

